AGCCRRMSAAARGGCTAGTCAGTAACATTGAGCTTGACGTASTTTGCCTGGCCACTTCCGCCAATTGGGCAGTGCCATCT

ATTGCTTTAAAACAAAAGCTTATAATGATTGACTTTCTGCCTCACGTCGAACTCTCGTTATGTTTTTCCAACGAGAGTCG

AAGGCTGGCGTGTTTGGAAGGCATGATATCWTGCTGAKGTTTTGAGGGGTASAGTGGGGTGATACATACMKCGTACTTGG

TCTCAATGAASGGGTCSTTGACKGCAYRCTCWMGTACGACTCCCCCCACACA